

โครงการหนึ่งอาจารย์ หนึ่งผลงาน ประจำปี 2555

ผู้เสนอผลงาน อาจารย์ ดร.พงษ์ฤทธิ์ ครบปรัชญา
สาขาวิชา ชีววิทยา สำนักวิชาวิทยาศาสตร์

เอกสารประกอบการสอน

วิชา พันธุศาสตร์

เรื่อง การกลายและการซ่อมแซมดีเอ็นเอ

การกลายและการซ่อมแซมดีเอ็นเอ Mutations and DNA Repair

Dr. Pongrit Krubphachaya

การกลาย (Mutation)

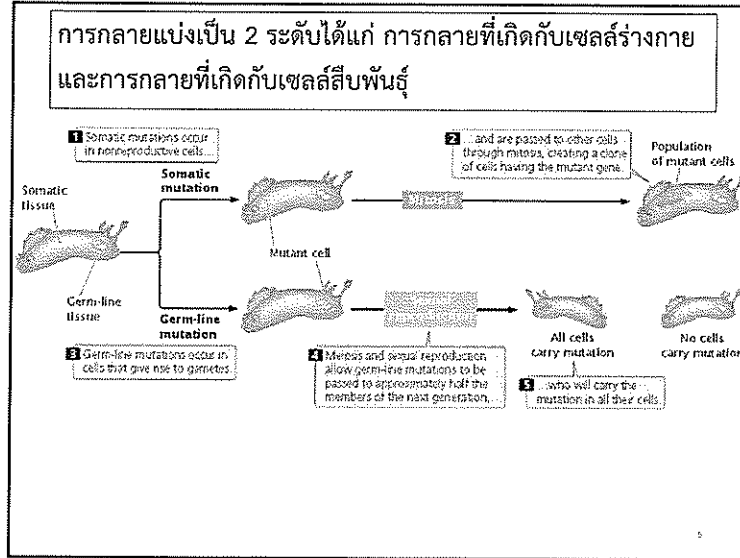
- การกลายคือการเปลี่ยนแปลงข้อมูลทางพันธุกรรมที่ถูกถ่ายทอดมา รุ่นที่รับถัดมาอาจมาจากการแบ่งเซลล์หรือแต่ละสิ่งมีชีวิตถูกสร้างโดยกระบวนการสืบพันธุ์

ความสำคัญของการกลาย

- การกลายมีความสำคัญทั้งเป็นสิ่งที่ทำให้ชีวิตอยู่รอดได้และทั้งเป็นสิ่งที่ทำให้เกิดความหายนะอย่างใหญ่หลวง ด้านหนึ่งคือการกลายเป็นแหล่งความหลากหลายของพันธุกรรม ซึ่งเป็นวัตถุดิบที่จำเป็นต่อการวิวัฒนาการ
- การแลกเปลี่ยนพันธุกรรมจะไม่มี ความหมายถ้าสิ่งมีชีวิตแต่ละตัวมีอัลลีลที่เหมือนกัน (homozygous alleles)

จำแนกการกลาย

- ในสิ่งมีชีวิตแบบหลายเซลล์ เราสามารถแยกการกลายออกเป็น 2 แบบ
- การกลายของร่างกาย (Somatic mutations) เกิดขึ้นกับเนื้อเยื่อของร่างกาย ซึ่งไม่มีการสร้างเซลล์สืบพันธุ์
- การกลายของร่างกายนี้ถูกส่งผ่านไปยังเซลล์อื่นๆ โดยกระบวนการแบ่งเซลล์แบบ mitosis ทำให้ประชากรมีพันธุกรรมของเซลล์ที่เหมือนกัน



จำแนกการกลาย

- การกลายของเซลล์สืบพันธุ์ (Germ-line mutations) เกิดขึ้นกับเซลล์ที่สุดท้ายจะผลิตเซลล์สืบพันธุ์ การกลายแบบนี้สามารถถ่ายทอดไปยังรุ่นต่อไป โดยที่สิ่งมีชีวิตแต่ละตัวที่ถูกถ่ายทอดการกลายนี้แต่ละเซลล์เป็นเซลล์ที่เกิดการกลายทั้งสิ้นไม่ว่าจะเป็นเซลล์ร่างกายหรือเซลล์สืบพันธุ์

จำแนกการกลาย

- การกลายถูกแบ่งเป็น การกลายที่มีผลต่อยีนๆ เดียวเรียกว่า *gene mutation* ส่วนการกลายที่มีผลต่อจำนวนหรือโครงสร้างของโครโมโซมเรียกว่า *chromosome mutations*

ชนิดของการกลายยีน (Gene Mutation)

- การแทนที่เบส (base substitutions) เป็นการสลับของนิวคลีโอไทด์หนึ่งตัวในดีเอ็นเอ โดยการแทนที่เบสมืออยู่ 2 แบบคือ
 - Transition เบสชนิด purine ถูกแทนที่โดยเบส purine ชนิดอื่น หรืออีกกรณีหนึ่งคือเบส pyrimidine ถูกแทนที่โดยเบส pyrimidine ชนิดอื่น
 - Transversion เบสชนิด purine ถูกแทนที่ด้วยเบส pyrimidine หรือเบส pyrimidine ถูกแทนที่ด้วยเบส purine.

ชนิดของการกลายยีน (Gene Mutation)

- การแทรกและการตัดออก (insertions and deletions) เป็นการเติมหรือการตัดออกของนิวคลีโอไทด์คู่หนึ่งหรืออาจมากกว่าหนึ่งคู่

The diagram illustrates three types of gene mutations on a DNA sequence: `CGG AAG GTA GAT CCG`.
 (a) **Base substitution**: One base is replaced by another, resulting in `CGG AAG GTA GAT CCG` becoming `CGG AAG GTA GAT CCG` (with one base changed). A note states: "One codon changed. A base substitution alters a single codon."
 (b) **Insertion**: A base is added, shifting the reading frame. A note states: "An insertion or a deletion alters the reading frame and may change many codons."
 (c) **Deletion**: A base is removed, also shifting the reading frame. A note states: "An insertion or a deletion alters the reading frame and may change many codons."

การกลายแบบ Transition และ Transversion

Transitions
 Possible base changes:
 Purine → Purine: A → G, G → A
 Pyrimidine → Pyrimidine: T → C, C → T

Transversions
 Purine → Pyrimidine: A → C, A → T, G → C, G → T
 Pyrimidine → Purine: C → A, C → G, T → A, T → G

การแทรกและการตัดออก (Insertions and deletions)

- การแทรกและการตัดออกหากเกิดขึ้นในลำดับเบสที่เป็นรหัสโปรตีนอาจส่งผลให้เกิด frameshift mutations คือเปลี่ยนแปลงกรอบในการอ่านรหัส (reading frame) ของยีน
- โดยรหัสเริ่มต้น (start codon) จะเป็นตัวกำหนดกรอบในการอ่านรหัสของยีนนั้นๆ (หนึ่งยีนจะมีกรอบการอ่านอยู่ 3 กรอบ แต่จะมีเพียง 1 กรอบเท่านั้นที่ถูกต้องโดยสอดคล้องกับรหัสเริ่มต้น)

การแทรกและการตัดออก

- การแทรกและการตัดออกไม่ได้ทำให้เกิด frameshifts ทั้งหมด ถ้าหากการแทรกและการตัดออกนั้นเกิดขึ้นครั้งละ 3 นิวคลีโอไทด์จะไม่ส่งผลกระทบต่อกรอบการอ่านรหัส การกลายที่ไม่ส่งผลกระทบต่อกรอบการอ่านรหัสเรียกว่า in-frame insertions และ in-frame deletions ตามลำดับ

การกลายที่มีผลต่อลักษณะปรากฏ

- ลักษณะ wild-type คือลักษณะที่พบได้ทั่วไปในประชากรตามธรรมชาติของสิ่งมีชีวิต
- นักพันธุศาสตร์ใช้ลักษณะที่ต่างไปจากปกติเป็นตัวอธิบายถึงผลที่เกิดจากการกลาย
- การกลายที่มีผลในลักษณะของ wild-type เปลี่ยนไปเรียกว่า forward mutation แต่ถ้าการกลายนั้นทำให้ลักษณะที่เกิดจากการกลายย้อนกลับเป็น wild type จะเรียกว่า reverse mutation

13

การกลายที่มีผลต่อลักษณะปรากฏ

- การแทนที่เบสที่เปลี่ยนรหัสใน mRNA เป็นผลให้ชนิดกรดอะมิโนในโปรตีนเปลี่ยนไปด้วยเราเรียกการกลายแบบนี้ว่า missense mutation
- การกลายที่เปลี่ยนรหัสพันธุกรรมจากรหัสที่แปลเป็นกรดอะมิโนได้กลายเป็นไม่สามารถแปลรหัสได้หรือเป็นรหัสหยุดเราเรียกการกลายแบบนี้ว่า nonsense mutation
- การกลายที่เปลี่ยนรหัสพันธุกรรมแต่ไม่ส่งผลกระทบต่อชนิดของกรดอะมิโนโดยเมื่อแปลรหัสแล้วยังคงได้กรดอะมิโนชนิดเดิมเราเรียกการกลายแบบนี้ว่า silent mutation

14

การกลายที่มีผลต่อลักษณะปรากฏ

- ส่วน neutral mutation ก็คือ missense mutation มีการเปลี่ยนชนิดกรดอะมิโนในลำดับของกรดอะมิโนในโปรตีนแต่ไม่มีผลต่อการทำงานของโปรตีน
- Loss-of-function mutations ทำให้เกิดการสูญเสียการทำงานไปบางส่วนหรือทั้งหมดของโปรตีน เป็นการเกิดการกลายที่มีผลในการเปลี่ยนแปลงโครงสร้างของโปรตีนจนทำให้มันไม่สามารถทำงานได้อีกต่อไป

15

การกลายที่มีผลต่อลักษณะปรากฏ

- ในทางตรงข้าม gain-of-function mutation ทำให้เกิดลักษณะใหม่หรือทำให้ลักษณะนั้นปรากฏในเนื้อเยื่อที่ไม่ควรเกิดหรือเกิดลักษณะนั้นในช่วงเวลาของการพัฒนารูปร่าง
- Conditional mutations หมายถึงการกลายที่เกิดขึ้นเฉพาะภายใต้สภาวะที่จำเพาะเท่านั้น
- Lethal mutations การกลายชนิดนี้จะทำให้สิ่งมีชีวิตตายก่อนเต็มวัย

16

การกลายที่มีผลต่อลักษณะปรากฏ

- การกลายแบบ suppressor mutation เป็นการเปลี่ยนพันธุกรรมโดยไปมีผลในการกวดการแสดงออกของการกลายอื่นที่เกิดขึ้นก่อนหน้า ซึ่งการกลายนี้ทำให้เกิดการเปลี่ยนกลับไปเป็นลักษณะเดิมของลำดับ wild-type
- ตำแหน่งที่เกิดการกลายนั้นต่างไปจากตำแหน่งแรกที่เกิดการกลาย นั่นคือในสิ่งมีชีวิตที่พบ suppressor mutation จะเกิดการกลาย 2 ครั้งแต่ลักษณะปรากฏยังคงเดิม เหมือนไม่เกิดการกลายพันธุ์ (เหมือน wild type)

ความสัมพันธ์ของการกลายแบบ forward, reverse, และ suppressor mutations

1 A forward mutation changes the wild type into a mutant phenotype.

2 A reverse mutation restores the wild-type gene and the phenotype.

3 A suppressor mutation occurs at a site different from that of the original mutation...

4 ... and produces an individual that possesses both the original mutation and the suppressor mutation...

5 ... but has the wild-type phenotype.

Genotype: Wild type $A^+ B^+$ → Forward mutation A^- → Mutation A^- → Reverse of mutation A^+ → Suppressor mutation B^- → Mutations $A^- B^-$

Phenotype: Red eyes → White eyes → Red eyes

A suppressor mutation

- มี 2 ระดับของการเกิด suppressor mutations คือ intragenic และ intergenic
- intragenic suppressor เกิดการกลายที่ยืนเดียวกันทั้ง 2 ครั้ง

An intragenic suppressor mutation occurs in the same gene that contains the mutation being suppressed

1 A missense mutation: ...alters a single codon...

2 A second mutation: ...at a different site in the same gene...

3 ...may restore the original amino acid.

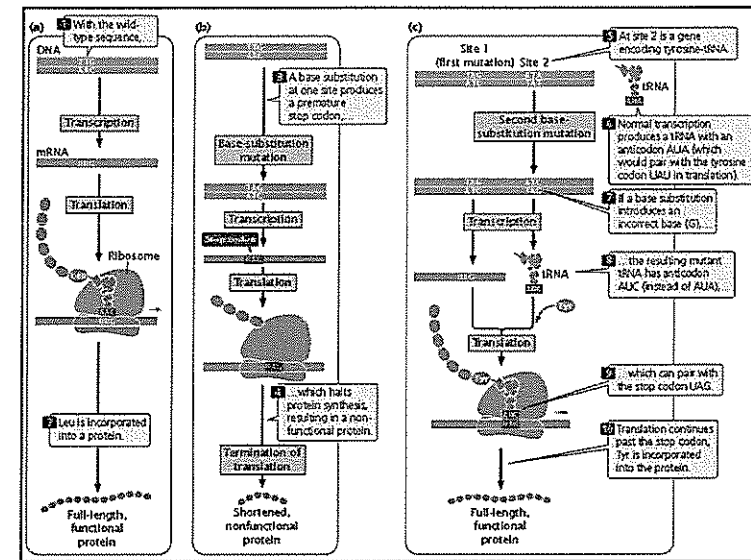
DNA: ATG → Mutation → ATG → Intragenic suppressor mutation → ATG

mRNA: AUG → AUG → AUG

Protein: Met → Met → Met

A suppressor mutation

- Intergenic suppressors เกิดการกลายคนละยีนกับการกลายในครั้งแรก ยกตัวอย่างเช่น
- การกลายครั้งแรกเกิดขึ้นบน mRNA ทำให้เปลี่ยนรหัสเป็นรหัสหยุด การกลายครั้งที่สองเกิดขึ้นบน tRNA บริเวณ anticodon ทำให้ tRNA ตัวนี้สามารถอ่านรหัสหยุดได้



อัตราการกลาย (Mutation Rates)

- ความถี่ของการเปลี่ยนแปลงยีนจาก wild type ไปเป็นกลายพันธุ์คือ mutation rate โดยทั่วไปจะแสดงออกมาเป็นจำนวนครั้งของการเกิดการกลายต่อหน่วยของชีวิต (เช่น ต่อการแบ่งเซลล์ ต่อเซลล์สืบพันธุ์ ต่อรอบของการจำลองดีเอ็นเอหรือกลุ่มของสิ่งมีชีวิตแต่ละชนิด

อัตราการกลาย

- Mutation rates ได้รับผลจากปัจจัย 3 ประการ
- ประการแรก ขึ้นกับความถี่ของการเปลี่ยนแปลงครั้งแรกที่เกิดขึ้นในดีเอ็นเอ
- ประการที่สอง เมื่อเกิดการเปลี่ยนแปลงในดีเอ็นเอมันจะถูกซ่อมแซม เซลล์ทั่วไปจะมีหลายกลไกในการซ่อมแซมดีเอ็นเอที่เกิดการเปลี่ยนแปลง ดังนั้นโดยส่วนใหญ่การเปลี่ยนแปลงจะถูกซ่อมก่อนที่จะเกิดการจำลองดีเอ็นเอ

อัตราการกลาย

- ถ้าระบบการซ่อมแซมมีประสิทธิภาพ อัตราการกลายจะต่ำ แต่ถ้าระบบผิดพลาดอัตราการกลายจะสูง
- ปัจจัยที่สาม สิ่งหนึ่งที่มีผลกระทบต่อการคำนวณอัตราการกลายคือความน่าจะเป็นที่การกลายนั้นจะถูกจดจำและบันทึก การกลายบางอย่างอาจพบว่ามีอัตราสูงเป็นเพราะว่ามันง่ายต่อการตรวจพบ

สาเหตุการกลาย

- การกลายเป็นผลมาจากปัจจัยภายในและภายนอก
- การกลายที่เป็นผลจากการเปลี่ยนแปลงโครงสร้างของดีเอ็นเอตามธรรมชาติเรียกว่า spontaneous mutations
- การกลายที่เป็นผลจากการเปลี่ยนแปลงที่เกิดจากสารเคมีในสภาพแวดล้อมหรือการแผ่รังสีเรียกว่า induced mutations

Spontaneous Replication Errors

- สาเหตุพื้นฐานของความผิดพลาดซึ่งเกิดจากการจำลองดีเอ็นเอกรณีหนึ่งคือเกิดจาก tautomeric shifts ซึ่งเกิดจากตำแหน่งโปรตรอนในเบสของดีเอ็นเอเปลี่ยน บางแบบสามารถจับคู่กับเบสอื่นได้
- ความผิดพลาดซึ่งเกิดจากการจำลองดีเอ็นเอเกิดขึ้นจากการเปลี่ยนแปลงโครงสร้างของเบสและการจับคู่ของ wobble base

รูปแบบของเบส purine และเบส pyrimidine พบว่ามีรูปแบบที่แตกต่างกันเรียกว่า tautomers

Common forms

Proton shift

Thymine

Guanine

Cytosine

Adenine

Rare forms

Thymine

Guanine

Cytosine

Adenine

Standard base-pairing arrangements

Thymine (common form) Adenine (common form)

Cytosine (common form) Guanine (common form)

Anomalous base-pairing arrangements

Cytosine (rare form) Adenine (common form)

Thymine (common form) Guanine (rare form)

Spontaneous Replication Errors

- การแทรกและการตัดออกเพียงเล็กน้อยอาจเกิดจาก strand slippage ในการจำลองดีเอ็นเอและ unequal crossing over

over

17.14 Insertions and deletions may result from strand slippage.

17.15 Unequal crossing over produces insertions and deletions.

Spontaneous Chemical Changes

- การกลายเป็นผลจากการเปลี่ยนทางเคมีของดีเอ็นเอโดยธรรมชาติ อย่างเช่น เกิดการขาดหายไปของเบสชนิด purine จากนิวคลีโอไทด์เรียกว่า depurination
- อีกตัวอย่างที่เกิดการเปลี่ยนทางเคมีที่เกิดขึ้นในดีเอ็นเอคือ deamination ซึ่งเป็นการสูญเสียหมู่อะมิโนจากเบส การเกิด deamination นี้อาจเกิดขึ้นเองหรืออาจเกิดจากการเหนี่ยวนำด้วยสารเคมีที่ทำให้เกิดการกลาย (mutagenic chemicals)

Spontaneous Chemical Changes

17.17 Deamination alters DNA bases.

Spontaneous Chemical Changes

(a)

Cytosine → Deamination → Uracil

(b)

5-Methylcytosine (5mC) → Deamination → Thymine

17.17 Deamination alters DNA bases.

สารเคมีที่ชักนำให้เกิดการกลาย

- ถึงแม้ว่าการกลายหลายอย่างเกิดขึ้นเองตามธรรมชาติ แต่ก็มีสารจากสิ่งแวดล้อมที่สามารถทำลายดีเอ็นเอได้แก่ สารเคมีและการแผ่รังสี
- สารจากสิ่งแวดล้อมที่มีผลในการเพิ่มอัตราการกลายให้มากกว่าอัตราการกลายที่เกิดขึ้นเองตามธรรมชาตินี้ถูกเรียกว่า mutagen

Base analogs

- ประเภทหนึ่งของสารเคมีที่ก่อการกลาย (chemical mutagens) ประกอบด้วย base analogs เป็นสารเคมีที่มีโครงสร้างคล้ายกับเบสที่พบได้ในโครงสร้างดีเอ็นเอ
- ยกตัวอย่างเช่น 5-bromouracil (5BU) มีโครงสร้างคล้าย thymine โดยปกติ 5BU จะจับคู่กับ adenine เหมือนกับ thymine ที่จับกับ adenine แต่ในบางครั้ง 5BU จะจับคู่กับ guanine ทำให้เกิด transition
(T:A->5BU:A->5BU:G->C:G)

Base analogs

(a)

Normal base: Thymine
Base analog: 5-Bromouracil

(b)

Normal pairing: 5-Bromouracil with Adenine
Mispairing: 5-Bromouracil (ionized) with Guanine

Base analogs

1 In replication, 5-bromouracil may become incorporated into DNA in place of thymine, producing an incorporated error.

2 5-bromouracil may mispair with guanine in the next round of replication.

3 In the next replication, the guanine nucleotide pairs with cytosine, leading to a permanent mutation.

Conclusion: Incorporation of bromouracil followed by mispairing leads to a TA → CG transition mutation.

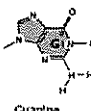
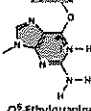
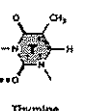
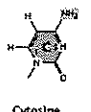
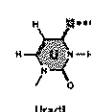

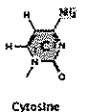
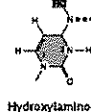
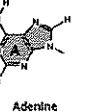
17.19 5-Bromouracil can lead to a replicated error.

Alkylating agents

- สาร Alkylating agents เป็นสารเคมีที่ให้หมู่ alkyl ได้แก่หมู่ methyl (CH_3) และหมู่ ethyl ($\text{CH}_3\text{-CH}_2$) โดยถูกเติมเข้าไปในเบสนิวคลีโอไทด์ด้วยสารเคมีบางชนิด
- ตัวอย่างเช่น สาร ethylmethanesulfonate (EMS) เติมหมู่ ethyl เข้าที่เบส guanine ได้เป็น 6-ethylguanine ซึ่งจะจับกับเบส thymine
- ดังนั้น EMS จะทำให้เกิด C:G->T:A transitions และ T:A->C:G transition

37

Chemicals may alter DNA bases

	Original base	Mutagen	Modified base	Pairing partner	Type of mutation
(a)	 Guanine	EMS	 O ⁶ -Ethylguanine	 Thymine	CG → TA
(b)	 Cytosine	Nitrous acid (HNO_2)	 Uracil	 Adenine	CG → TA
(c)	 Cytosine	Hydroxylamine (NH_2OH)	 Hydroxylamino-cytosine	 Adenine	CG → TA

38

Deamination

- การเกิด Deamination สามารถเกิดโดยการเหนี่ยวนำด้วยสารเคมีบางชนิด ตัวอย่างเช่น
- สาร nitrous acid เหนี่ยวนำ cytosine เปลี่ยนเป็น uracil ดังนั้นเกิดการกลายจาก C:G->T:A transition
- นอกจากนี้ nitrous acid ยังเปลี่ยน adenine ไปเป็น hypoxanthine ซึ่งจับคู่กับ cytosine ทำให้เกิด T:A->C:G transition

39

Hydroxylamine

- Hydroxylamine เป็นสารที่ทำให้เบสเกิดการเปลี่ยนแปลงที่จำเพาะโดยมันจะเติมหมู่ hydroxyl ให้กับเบส cytosine ทำให้มันเปลี่ยนเป็น hydroxylaminocytosine เป็นผลให้เกิด C:G->T:A transitions

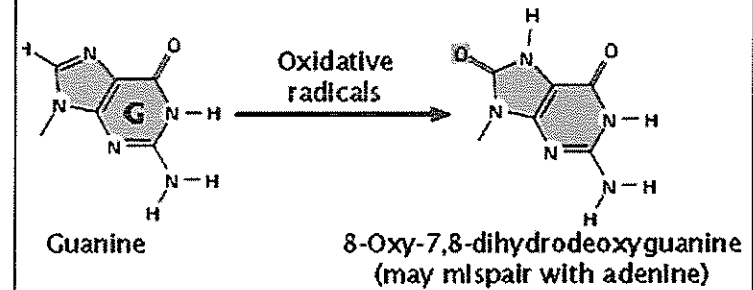
40

Oxidative reactions

- รูปแบบ reactive oxygen ได้แก่ superoxide radicals, hydrogen peroxide, และ hydroxyl radicals ซึ่งเกิดจากกระบวนการสันดาปแบบใช้ออกซิเจนปกติ รวมถึงเกิดจากการแผ่รังสี โอโซน peroxides และยาบางตัว
- โดย reactive oxygen เหล่านี้ทำลายดีเอ็นเอและทำให้เกิดการกลาย ยกดตัวอย่างเช่น การเกิด oxidation เปลี่ยน guanine ให้เป็น 8-oxy-7,8-dihydrodeoxyguanine เป็นผลให้เกิดการกลายจาก G:C->T:A transversion

41

Oxidative reactions



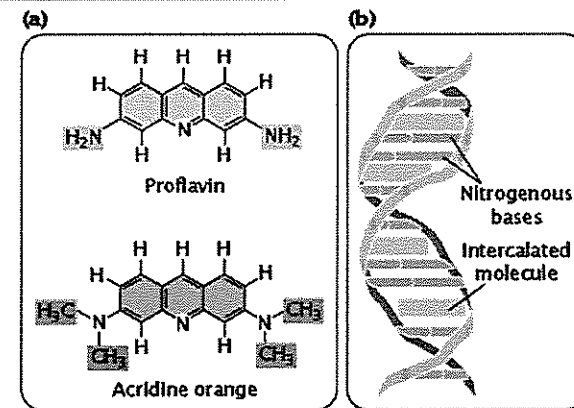
42

Intercalating agents

- สาร Intercalating ได้แก่ proflavin, acridine orange, ethidium bromide, และ dioxin
- สารเหล่านี้ทำให้เกิดการกลายโดยเข้าไปแทรกประกบกับเบสที่อยู่ใกล้กันในดีเอ็นเอ ทำให้โครงสร้าง 3 มิติของดีเอ็นเอเกิดการบิดงอและเป็นผลให้เกิดการแทรกของนิวคลีโอไทด์และการขาดหายในกระบวนการจำลองดีเอ็นเอ

43

Intercalating agents



44

Radiation

- การแผ่รังสีอย่างเช่น รังสีเอ็กซ์ และรังสีแกมมา ทำลายดีเอ็นเอโดยทำให้เกิดการแตกหักของพันธะ phosphodiester และรบกวนโครงสร้างของเบส
- แสง UV ทำให้เกิดการกลายเริ่มจากเกิดทำให้เกิด pyrimidine dimers ซึ่งขัดขวางการจำลองดีเอ็นเอและการถอดรหัส
- ระบบ SOS ช่วยให้แบคทีเรียสามารถจำลองดีเอ็นเอข้ามผ่านจุดที่ขัดขวางการจำลองดีเอ็นเอไปได้แต่กลับเป็นการเติมเบสแบบผิดๆ เข้าไปในขณะที่มีการจำลองดีเอ็นเอ

Radiation

17.24 Pyrimidine dimers result from Ultraviolet light.
 (a) Formation of thymine dimer. (b) Distorted DNA.

การเกิด dimers ทำให้รูปร่างดีเอ็นเอบิดงอและขัดขวางกระบวนการจำลองดีเอ็นเอ

การซ่อมแซมดีเอ็นเอ (DNA Repair)

- มีหลายวิธีที่ซับซ้อนสำหรับการซ่อมแซมดีเอ็นเอ
- กลไกในการซ่อมแซมดีเอ็นเอส่วนใหญ่ต้องอาศัยสายนิวคลีโอไทด์ทั้ง 2 สายของดีเอ็นเอ
- โดยธรรมชาติของดีเอ็นเอที่ประกอบด้วยสายโพลีนิวคลีโอไทด์ 2 สายที่เกิดจากเบสคู่สมมาเข้าคู่กันนอกจากเพื่อความเสถียรและประสิทธิภาพในการจำลองตัวเองแล้วยังรวมถึงการที่แต่ละสายทำหน้าที่ให้ข้อมูลที่เป็นต่อการซ่อมแซมที่ถูกต้องอีกด้วย

การซ่อมแซมดีเอ็นเอ

- ความเสียหายของดีเอ็นเอหลายรูปแบบสามารถแก้ไขให้ถูกต้องได้ด้วยวิธีการซ่อมแซมหลายทาง
- เพื่อให้แน่ใจว่าความเสียหายที่เกิดขึ้นจะถูกแก้ไขแน่นอน
- ถ้าความเสียหายนั้นเล็ดรอดจากวิธีการซ่อมแซมแบบหนึ่ง แต่ในที่สุดมันจะถูกซ่อมด้วยวิธีอื่นๆ ต่อไป

Mismatch Repair

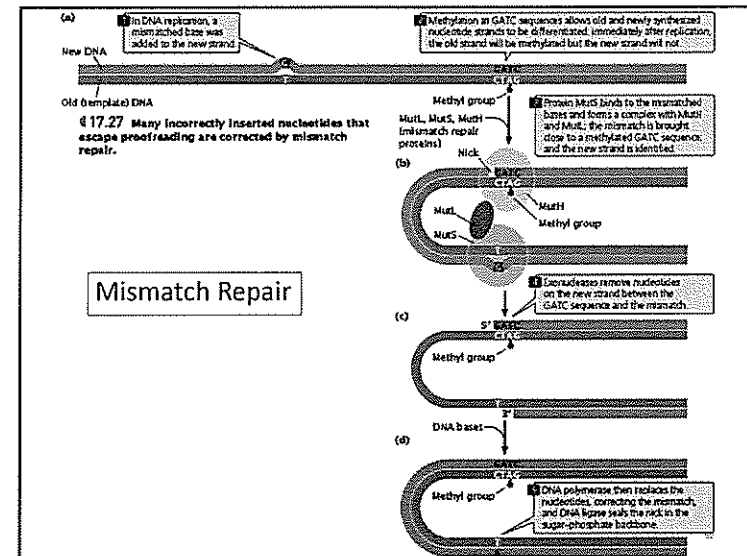
- ในกระบวนการจำลองดีเอ็นเอการเติมเบสผิดเข้าไปในสายดีเอ็นเอที่กำลัั้งสังเคราะห์จะเกิดขึ้นได้ประมาณ 1 ใน 10^4 ถึง 10^5
- เอนไซม์ DNA polymerases มีความสามารถในการจดจำและแก้ไขนิวคลีโอไทด์ที่เติมผิดโดยอาศัยการทำงาน 3' -> 5' exonuclease
- แต่ก็ยังมีเบสที่เติมเข้าไปผิดทำให้เกิดการจับคู่เบสผิด เกิดการบิดงอของโครงสร้าง 3 มิติของดีเอ็นเอเกิดขึ้น

Mismatch Repair

- หลังจากที่มีการเติมเบสผิดนั้นถูกตรวจเจอ เอนไซม์ที่ทำหน้าที่ซ่อมการจับคู่เบสผิดจะเข้าไปตัดช่วงนิวคลีโอไทด์ที่มีการบิดงอของสารดีเอ็นเอที่ถูกสังเคราะห์ใหม่และหลังจากนั้นจะมีการสังเคราะห์นิวคลีโอไทด์ใหม่ขึ้นมาแทนโดยใช้สายของดีเอ็นเอต้นแบบเป็นแม่แบบ

Mismatch Repair

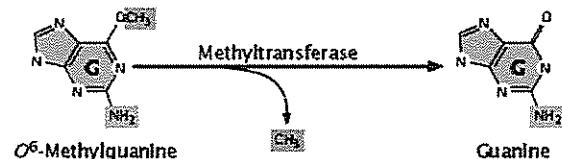
- หลังจากกระบวนการจำลองดีเอ็นเอเสร็จสิ้น เบส adenine ในช่วงลำดับเบสที่มีการเรียงตัวดังนี้ GATC จะมีการเติมหมู่ methyl ด้วยการดำเนินงานของเอนไซม์ที่ชื่อว่า Dam methylase นั้นหมายความว่าดีเอ็นเอสายเก่าจะมีการเติมหมู่ methyl แต่ดีเอ็นเอสายใหม่ที่ยังสังเคราะห์อยู่จะยังไม่มีการเติมหมู่ methyl



Direct Repair

- กลไก Direct-repair จะไม่มีการสร้างทดแทนเบสที่เกิดการกลายแต่จะมีการเปลี่ยนเบสนั้นให้กลับมาเป็นเหมือนเดิม
- ตัวอย่างหนึ่งของกลไก Direct-repair คือ photoreactivation โดยเบส pyrimidine dimers ซึ่งเกิดจากรังสี UV นั้นในเซลล์พวก *E. coli* และพวกยูแคริโอตบางชนิดจะมีเอนไซม์ชื่อ photolyase ซึ่งใช้พลังงานจากแสงในการทำลายพันธะโควาเลนต์ที่เกิดขึ้นกับ pyrimidine dimers ให้แตกออกจากกัน

Direct Repair

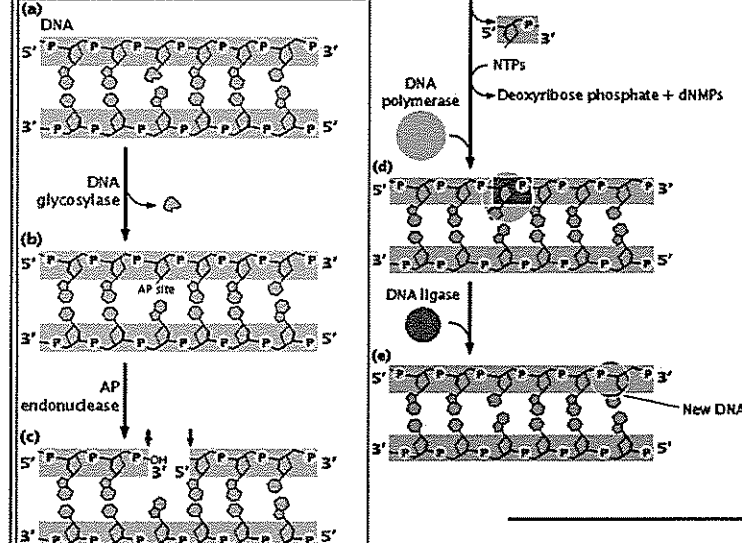


17.28 Direct repair changes nucleotides back into their original structures.

An enzyme called O6-methylguanine- DNA methyltransferase removes the methyl group from O6-methylguanine, restoring the base to guanine

Base-Excision Repair

- กลไกการซ่อมแบบ base-excision repair เบสที่มีการกลายในขั้นแรกจะถูกตัดออก หลังจากนั้นจะมีการสร้างมาแทนที่
- การตัดเบสที่เกิดจากการกลายจะถูกกระทำด้วยชุดของเอนไซม์ที่เรียกว่า DNA glycosylases แต่ละตัวจะจดจำและตัดเอาเบสที่มีการกลายแต่ละแบบออกโดยการทำลายพันธะที่เชื่อมเบสกับคาร์บอนตำแหน่งที่ 1 ของน้ำตาล deoxyribose



(a) DNA

(b) DNA glycosylase

(c) AP endonuclease

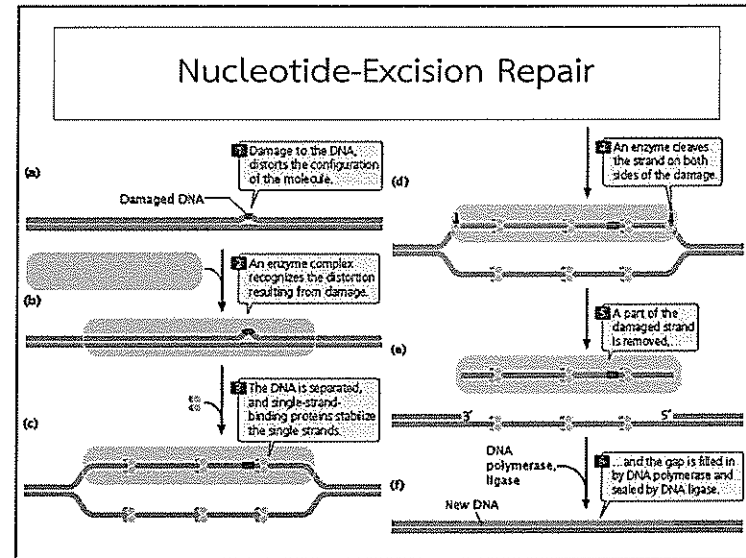
(d) DNA polymerase

(e) DNA ligase

New DNA

Nucleotide-Excision Repair

- กลไกการซ่อมแบบ Nucleotide excision repair ซึ่งจะมีการตัดนิวคลีโอไทด์หลายตัวบริเวณที่เกิดความเสียหายทำให้ดีเอ็นเอมีรูปแบบผิดไป เช่น pyrimidine dimers หรือการที่มี hydrocarbons ขนาดใหญ่เกาะกับดีเอ็นเอ
- ส่วนของสายดีเอ็นเอที่เกิดความเสียหายจะถูกตัดออกและช่องว่างที่เกิดขึ้นก็จะถูกเติมเต็มด้วยการทำงานของเอนไซม์ DNA polymerase และเชื่อมต่อเข้ากับสายดีเอ็นเอเดิมด้วยเอนไซม์ DNA ligase



สรุปกลไกในการซ่อมดีเอ็นเอ

Repair System	Type of Damage Repaired
Mismatch	Replication errors, including mispaired bases and strand slippage
Direct	Pyrimidine dimers; other specific types of alterations
Base-excision	Abnormal bases, modified bases, and pyrimidine dimers
Nucleotide-excision	DNA damage that distorts the double helix, including abnormal bases, modified bases, and pyrimidine dimers